第 12 卷 第 6 期 2023 年 11 月

集 成 技 术 JOURNAL OF INTEGRATION TECHNOLOGY

Vol. 12 No. 6 Nov. 2023

引文格式:

马瑞民, 谢锐涛, 黄莹, 等. 基于结构磁共振影像的孤独症分类中的数据增强研究 [J]. 集成技术, 2023, 12(6): 33-42. Ma RM, Xie RT, Huang Y, et al. Data augmentation study in structural magnetic resonance imaging based autism spectrum disorder classification [J]. Journal of Integration Technology, 2023, 12(6): 33-42.

基于结构磁共振影像的孤独症分类中的数据增强研究

马瑞民1# 谢锐涛1,2# 黄 莹1 郗文辉1 魏彦杰1* 潘 毅1,3*

¹(中国科学院深圳先进技术研究院 深圳 518055) ²(中国科学院大学 北京 100049) ³(深圳市智能生物信息学重点实验室 深圳 518055)

摘 要 基于结构磁共振影像的孤独症分类对孤独症疾病的早期筛查和精准诊断具有重要意义,但受数据噪声及样本不足的影响,基于结构磁共振影像的孤独症分类模型的准确率并不理想。该文提出一种新的数据增强模型,并采用孤独症脑成像交换数据库 I 中的密西根大学样本库 1 数据集进行模型测试,随机选取密西根大学样本库 1 数据集中的 78 个样本进行实验,以对孤独症分类准确率进行评估。实验结果显示: 该方法在 500 次实验的 494 次(98% 以上的实验)中能够将分类准确率提升10%~20%,在不增加数据量的情况下显著提升了孤独症的分类准确率。通过分析准确率提升和标注变化比例之间的关系,该文进一步对数据标注噪声的问题进行了探讨。

关键词 孤独症;结构磁共振影像;数据增强;分类准确率

中图分类号 R 749.94; TP 181 文献标志码 A doi: 10.12146/j.issn.2095-3135.20230413001

Data Augmentation Study in Structural Magnetic Resonance Imaging Based Autism Spectrum Disorder Classification

MA Ruimin^{1#} XIE Ruitao^{1,2#} HUANG Ying¹ XI Wenhui¹ WEI Yanjie^{1*} PAN Yi^{1,3*}

¹(Shenzhen Institute of Advanced Technology, Chinese Academy of Sciences, Shenzhen 518055, China)

²(University of Chinese Academy of Sciences, Beijing 100049, China)

³(Shenzhen Key Laboratory of Intelligent Bioinformatics, Shenzhen 518055, China)

*Corresponding Authors: yj.wei@siat.ac.cn; yi.pan@siat.ac.cn

*Equal Contribution

Abstract Structural magnetic resonance imaging based autism spectrum disorder classification is important

收稿日期: 2023-04-13 修回日期: 2023-07-14

基金项目: 国家重点研发计划项目(2021YFF1200100); 国家自然科学基金项目(U22A2041); 深圳市科技计划资助项目(KQTD20200820113106007); 深圳市智能生物信息学重点实验室(ZDSYS20220422103800001); 广东省重点研发项目(2021B0101310002)作者简介: 马瑞民(共同第一作者), 博士, 研究方向为生物信息学; 谢锐涛(共同第一作者), 博士, 研究方向为生物信息学, 深度学习; 黄莹, 硕士, 研究方向为计算生物、深度学习; 郗文辉, 副研究员, 研究方向为计算生物、分子动力学模拟; 魏彦杰(通讯作者), 研究员, 研究方向为计算生物学、高性能计算, E-mail: yj.wei@siat.ac.cn; 潘毅(通讯作者), 教授, 研究方向为生物信息学、深度学习, E-mail: yj.pan@siat.ac.cn。

nowadays for early-stage screening and accurate diagnosis of autism spectrum disorder. However, due to the limitation of large data noise and small data volume, the predictive accuracy of structural magnetic resonance imaging based autism classification is not ideal. In this study, a new data augmentation model is proposed to improve classification accuracy without increasing training data volume. The University of Michigan sample 1 dataset of autism brain imaging data exchange I for autism study was used for training and evaluating the proposed model. 78 samples of the University of Michigan sample 1 dataset was selected randomly for performing the experiment, and the performance improved using proposed data augmentation algorithm for autism spectrum disorder classification task was calculated. Such a procedure was repeated for 500 times to collect results that are statistically significant. Based on the results, this method can stably improve classification accuracy between 10% and 20% in 494 out of 500 experiments (over 98% of the experiments). Through a comparative study of accuracy improvement and label change ratio, the problem of data label noise was explored.

Keywords autism spectrum disorder; structural magnetic resonance imaging; data augmentation; classification accuracy

Funding This work is supported by National Key Research and Development Program of China grant (2021YFF1200100), National Natural Science Foundation of China (U22A2041), Shenzhen Science and Technology Program (KQTD20200820113106007), Shenzhen Key Laboratory of Intelligent Bioinformatics (ZDSYS20220422103800001), Key Research and Development Project of Guangdong Province (2021B0101310002)

Ethical Statement The study was approved by the autism brain imaging data exchange I organization and informed consent for this study was waived due to data widely open-sourced.

1 引 言

孤独症谱系障碍(autism spectrum disorder, ASD),简称孤独症,也称孤独症,是一种复杂的神经发育障碍,其特点包括社交障碍、刻板行为和兴趣狭隘等[1]。患儿在幼儿时期便开始出现单一或多种特征,影响社交、沟通、学习、适应性发展等功能^[2]。ASD的确切病因尚不清楚,目前研究认为是由遗传、大脑发育、免疫、家庭及生活习惯等多种因素导致的复杂疾病,ASD个体间的连续性变异可能反映了这些因素和相关机制不同程度的表达^[3-4]。ASD 是患病率攀升速度最快的儿童精神疾病:据美国疾病控制与预防中心 2020 年的统计数据,美国儿童患 ASD 的

人数比例为 2.76%,即每 36 个儿童中就有 1 位确诊^[5];在我国,ASD 的患病率在 0.7%~1%,保守估计每年将有约十万的新生潜在患儿^[6-7]。 ASD 造成世界范围内的巨大经济损失和社会负担,然而,目前,ASD 的临床诊断缺乏高效灵敏的生物标记物,多数情况下依赖于医生的临床症状评估量表,一般依照《精神疾病诊断与统计手册》(第五版)的诊断标准,结合数种常用的ASD 评定量表,如《ASD 诊断观察量表》《孤独症诊断访谈量表》(修订版)等^[8-10]来对 ASD进行诊断。由于 ASD 诊断没有相关的病理生理标志物来帮助诊断,其症状常与其他精神疾病如智力残疾、精神分裂等重合,因此导致基于行为量表的 ASD 诊断存在一定的误诊率^[11]。基

于孤独症检测的当前困境,需要发展行为量表之外的生物特征来提高孤独症检测的精度,降低误诊率。

随着神经影像学的发展, 研究者开始探索使 用神经影像数据来对 ASD 进行诊断。早期基于 神经影像的 ASD 诊断通过分析大脑区域的结构 连接、活动性能及功能连接来进行[12-13]。临床医 生基于神经影像的常规 ASD 诊断方法存在一系 列的问题,如图片分辨率低、对运动伪影敏感 等, 归根结底在于人眼对影像的处理能力有限, 图像信息的特征提取精度低、严重依赖经验判 断。随着人工智能方法的快速发展,许多研究开 始采用机器学习的方法提升影像特征提取精度, 已发展出多种类型的机器学习方法,以提升医学 影像的自动分析能力,辅助医生进行诊断[14-15]。 影像学数据存在空间依赖性,可以使用二维卷 积网络进行特征提取,二维卷积网络可在实现 数据降维的同时保留部分空间依赖信息[16]。对 于功能磁共振影像 (functional magnetic resonance imaging, fMRI) 这类同时拥有空间依赖性和时间 依赖性的影像数据而言,可采用三维卷积网络来 进行特征提取,保留特征中的空间和时间依赖性 信息[17]。对于大量没有标注的影像学数据来说, 可以利用自动编码器等无监督学习方法进行特征 提取, 进而用于 ASD 诊断[18]。

基于机器学习的 ASD 诊断研究大多集中在提升特征提取精度上,但是作为一种数据驱动方法,机器学习很难在训练数据外的区域进行外推;当训练数据过少时,高精度特征提取效果并不显著。加之神经影像数据的收集较为昂贵,通过收集更多数据的方式来提高 ASD 检测准确率的研究思路在许多场景中不具备客观条件。因此,通过提升已有数据的质量来提升模型训练精度是一种有效的改进方法。数据增强方法是通过添加已存在数据的略微修改副本或从现有数据中新创建合成数据来增加数据量的技术,发挥了类

似正则器的作用,有助于在训练机器学习模型时 减少过度拟合问题[19]。基于磁共振影像数据驱动 的 ASD 诊断领域时常面临数据量不足的问题, 数据增强技术有助于提升机器学习模型的泛化性 能,改进测试集上的预测准确率。Jönemo 等[20] 利用三维卷积神经网络对 ASD 患者的 fMR 进行 分类,通过图片的反转、旋转、缩放、亮度调 控、弹性形变等数据增强技术提升可用于训练的 fMRI 数据量,然而,分类准确率的提升效果并 不明显。Eslami 等^[21]利用特征间线性插值的方式 生成新的 fMRI 特征,并通过伪标注的数据增强 方式将 ASD 的分类准确率提升至 28%~82%。 另有研究者对 fMRI 使用合成少数过采样技 术(synthetic minority oversampling technique, SMOTE) 进行数据增强,提升了 ASD 分类的准 确率[22-23]。

数据增强方法通过增加合成数据来提升分类 准确率,提升的效果各不相同,并不总能获得显 著提升。关键点在于所增添的数据既会提供任务 相关信息, 也会引入无关噪声, 信噪比决定了分 类准确率的提升效果,引入信噪比小的合成数据 并无益处。基于大脑磁共振影像的 ASD 诊断通 常面临数据集小、合成数据信噪比小等问题,因 此需要发展有效的数据增强方法。同时,传统的 ASD 脑影像标注通常基于专家对患者的行为观 察,存在一定的误诊情况,使得数据标注存在一 定的偏差,即引入了原始标注的噪声。如果能够 自动纠正这些错误的标注,则将有助于提升数据 质量及分类准确率。本文提出一种新的数据增强 模型,自动对原始磁共振影像特征生成一组新的 标注, 在不增加新合成数据的前提下, 提升数据 质量及分类准确率。与原始磁共振影像特征和原 始标注的预测结果相比,本文发展的数据增强方 法引入的新标注显著提升了 ASD 分类预测的准 确率;与其他同类机器学习模型相比,准确率提 升了 10%~20%。

2 方 法

2.1 磁共振影像数据集

本研究将孤独症脑成像交换数据库 I (autism brain imaging data exchange I, ABIDE I) [24] 中的密西根大学样本库 1 (University of Michigan: sample 1, UM1) [25] 作为研究数据集。UM1 数据集共包含 109 个样本,其中: 54 个为 ASD 患者,年龄范围为 8.5~18.6 岁; 55 个为对照组,年龄范围为 8.2~19.2 岁。无论是 ASD 患者,还是对照组,均要求智商大于 85。患者的诊断结果是密西根大学孤独症和沟通障碍中心的医生基于《自闭症诊断访谈量表》(修订版)和《孤独症诊断观察量表》的结果进行判定的。采集 MRI 的仪器型号为 3 Tesla GE Signa,109 个样本的数据包括 fMRI 和结构性磁共振成像,本工作中所有的数据分析均基于 UM1 的 fMRI 数据集。

2.2 数据训练的流程和目标

本研究中提出的数据增强模型的流程和提升目标如图 1 所示。首先,将数据/影像特征输入数据增强模型中,产生新的标注,接着将数据特征和新标注输入随机森林模型中,采用十折交叉验证(十次切分数据进行训练和验证,每次的训练集占比均为 0.9,验证集占比均为 0.1),输出新的分类准确率 S_2 。将相同的数据特征及其原始标注输入随机森林模型中,同样采用十折交叉验证输出原始的分类准确率 S_1 。本研究的目标是通过比

较两组结果的分类准确率,寻到数据增强模型中可以使新的分类准确率有所提升的新标注,这里的提升阈值设置为 10%~20%。为了进行多轮实验获得具有统计意义的结果,该流程被执行 500次,通过随机丢弃部分原始数据特征(78 个样本被留下),使得每轮实验过程中输入增强模型和随机森林模型的数据特征集都不一样,统计不同数据集输入产生的实验结果,增强实验的可靠性。

2.3 数据增强模型算法实现

整个数据增强模型的算法实现采用 PyTorch 语言[26], 算法流程图包含两个阶段, 如图 2 所 示。第一阶段,使用监督学习方法来学习影像特 征的分布,即 P(Y|X),其中,Y为标注(孤独症/ 非孤独症), X 为原始磁共振影像特征。学习到 的模型将作为后期强化学习的先验,用于防止强 化学习过程中生成过度不合理的标注。为了更好 地模仿专家的标注行为,将双向循环神经网络 (bidirectional recurrent neural network, bi-RNN) 作为先验模型[27],即使用递归任务标记一批医学 图像, 专家对每个图像依次标记, 但标注行为不 会只进行一次, 专家可能会在一轮标注后回溯结 果,以确保诊断足够准确。在一批图像的标注过 程中,使用 bi-RNN 模型能够有效实现其中任何 一个图像均可将之前和/或之后观察到的图像作 为参考(双向)。这里选用门控循环单元作为 bi-RNN 的基本单元,门控循环单元采用单层隐藏 层网络, 其大小为 3。Adam 优化器^[28]对 bi-RNN

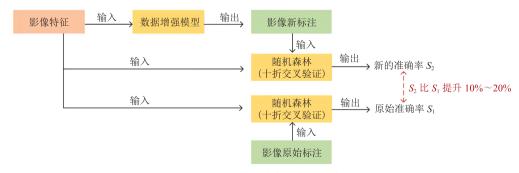


图 1 数据增强流程和提升目标

Fig. 1 Data augmentation process and goals to optimize

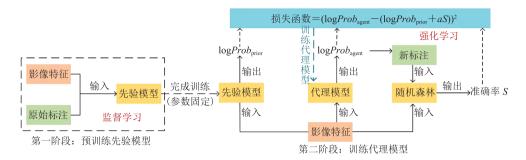


图 2 用于获取提升分类准确率新标注的数据增强框架

Fig. 2 Data augmentation framework used for generation of new annotations that can improve the accuracy of classification

优化 1 000 步,尽可能地捕获影像特征的数据分布,学习率为 0.005,每次输入模型训练的数据批次大小为原始数据的大小,超参数通过网格搜索选择。

数据增强算法的第二个阶段是对代理模型进行训练。该代理模型具备与先验模型相同的架构,是寻找提升分类准确率的新标注的代理人(agent)。在训练该代理模型的每一步中,将原始磁共振影像特征输入到代理模型中,由代理模型输出新标注,使用随机森林^[29]模型量化原始磁共振影像和新标注之间的关系,并计算十折交叉验证准确率(S)。随后,S会被用作强化学习的激励或者反馈。bi-RNN的输出是 logits,其值在0和1之间,表示预测为孤独症(标为1)的可能性。将原始磁共振影像特征分别输入代理模型和训练好的先验模型中,计算它们预测孤独症的对数概率,表示为 logProb_{prior} 和 logProb_{agent}。强化学习的损失函数定义为

$$J = \left(\log Prob_{\text{agent}} - \left(\log Prob_{\text{prior}} + \alpha S\right)\right)^{2}$$
 (1)

其中, α 为可以调整的超参数,本研究通过多组实验对比,将该值设置为 200。训练代理模型所采用的优化器和学习率跟训练先验模型时的一致,训练的迭代轮次(epoch)设置为 100,每轮(epoch)训练过程中,被输入网络的数据批次大小(batch size)为原始样本数据的大小。为了防止代理模型生成无意义的标注分布,这里通过设计

损失函数,使代理模型产生的新标注分布尽可能 地接近训练好的先验模型产生的标注分布。

为了更好地呈现整个算法的流程,表 1 展示了数据增强算法实现的伪代码。

表 1 数据增强算法的伪代码

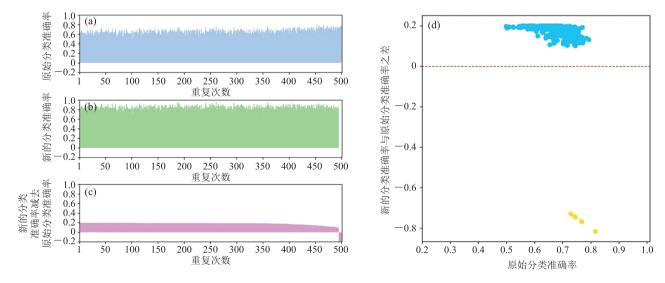
Table 1 Pseudocode of data augmentation algorithm

```
数据增强算法
输入:影像特征X,原始标注Y
输出: 新的准确率集合 S'=\emptyset, 新的标注集合 Y'=\emptyset
先验模型: Prior;代理模型: Agent;随机森林: RF;训练代理模型目标
函数:1
for i=1 to 500 do
    在X上随机采样获得X_i,对应的标注组成Y_i
    for j = 1 to 1000 do
        Z_1 = Prior(X_i);
         更新 Prior 模型参数,减小 Z_1与 Y_i的距离;
    原始分类准确率 S_{ori} = RF_{i,0}(X_i, Y_i)
    初始化新分类准确率 Snew=0
    初始化新标注 Ynew=∅
    for k=1 to 100 do
        Z_2 = Agent(X_i):
         由预测概率结果 Z2 获得新的标注 Y*;
        S = RF_{i,k}(X_i, Y^*);
         损失值 Loss = J(Z_1, Z_2, S);
         更新 Agent 参数,减小损失值 Loss;
        if 0.1 \le S - S_{\text{ori}} \le 0.2 \& S_{\text{new}} \le S then
             S_{\text{new}} = S;
             Y_{\text{new}} = Y^*;
    end
    S' = S' \cup S_{\text{new}}
    Y' = Y' \cup Y_{\text{new}}
end
```

3 实验结果

本研究将随机挑选的磁共振影像样本特征作 为输入。如图 1 所示,数据增强流程经过 500 次 重复,每次随机挑选样本产生不同的数据集,使 得结果更具统计意义。在每一次重复数据增强的 流程中, 分别记录原始分类准确率和新的分类准 确率,并对两者进行比较。图 3(a)为 500 次重 复实验过程中原始分类准确率的分布(蓝色), 图 3(b)为 500 次重复实验过程中新的分类准确 率的分布(绿色)。如图 3(a) 所示, 原始分类准 确率分布在 60% 左右: 如图 3(b) 所示, 新的分 类准确率分布在 80% 左右。为了更精准地量化 新分类的准确率提升, 计算了新的分类准确率 和原始分类准确率之差,并按照降序重新排列, 如图 3(c) 所示(红色)。为了便于对照,图 3(a) 和 3(b)的横坐标排列顺序与图 3(c)遵循相同的 规则。假设医生在标注过程中不会出现过多的失 误,不能无限度提升准确率,而训练增强算法 可能会因过度拟合现有数据,造成在现有数据

上效果很好, 但在其他数据集上效果就很差的 现象。因此,需要对增强算法在现有数据集上 的性能进行约束,将新的分类准确率的提升约 束在 10%~20% 之间, 即在 500 次实验中, 如 果找到提升分类准确率介于 10%~20% 的新标 注,则输出新的分类准确率;反之,则输出 0。 在实验中存在少数没有找到提升分类准确率介于 $10\% \sim 20\%$ 之间的新标注的情况,因此,图 3(c) 中的末尾部分存在少量的负数例子。除此之外的 其他新标注的分类准确率提升在 10.2%~20.0% 之间不等。在所有实验中, 共有 494 次 (98% 以 上) 实验找到可以提升分类准确率 10%~20% 的 新标注,即对于不同的数据集而言,本方法都能 够比较稳定地通过数据增强的方式提升其分类准 确率。为了更加直观地说明本研究提出算法的有 效性,500 次实验的量化比较结果如表 2 所示。 从表 2 可以看出,500 次实验中,数据增强算法 产生的平均准确率为83.8%,而不进行数据增强 产生的平均准确率为66.5%,比引入数据增强算 法的实验结果低 17.3% 的准确率。



(a) 原始分类准确率; (b) 新的分类准确率; (c) 新的分类准确率与原始分类准确率之差的分布(按降序排列);

(d) 原始分类准确率和新的分类准确率与原始分类准确率之差的配对图

图 3 500 次实验中的分类准确率

Fig. 3 Classification accuracy in 500 trials

表 2 500 次实验数据增强得到的平均准确率与不进行数据增强(原始)得到的平均准确率结果

Table 2 Mean accuracies obtained from methods with/ without data augmentation in 500 experiments

数据增强产生的平 均准确率	原始平均准确率	数据增强提升的平 均准确率
83.8%	66.5%	17.3%

为了进一步阐明准确率提升与标注之间的关系,图 3 (d) 展示了原始分类准确率和新旧二者之差(新的分类准确率一原始分类准确率)的配对关系。对于原始分类准确率较低的区域(<0.6)来说,提升准确率的效果较为显著,集中于 0.2左右(蓝色区域左部)。而对于原始分类准确率较高的区域(>0.6)而言,准确率的提升效果开始下降,具体表现为准确率提升的变化幅度变大(蓝色区域右部)。一种可能的解释是,对于原始分类准确率较高的数据集来说,特征和标注间的关系简单,决策边界清晰,可能归因于标注中的噪声比较小,准确率的提升空间较小;反之,对于原始分类准确率较低的数据集来说,标注中的噪声比较大,准确率的提升空间较大。

在证实了模型可以稳定提升准确率之后,在 固定数据集的基础上,本研究着眼于从可以提升 准确率的标注分布候选中寻找最合理的标注分 布,并进行可解释分析。对于生成的新的标注分 布来说,不同的标注分布可以提升相似的准确 率,但不是所有能够提升分类准确率的标注分布 都是合理的,即统计意义上的准确率提升并不能 保证模型能够纠正医学上的错误标签,因而需要 对生成的标注分布进行后筛选,并尝试进行解 释。用上述的数据增强模型进行新的标注生成, 并计算使用原始磁共振影像特征和原始标注在随 机森林模型上能达到的孤独症分类性能(十折交 叉验证准确率),以及使用原始磁共振影像特征 和新的标注在随机森林模型上能达到的孤独症分 类性能。通过比较新的分类准确率和原始分类准 确率,保留能将分类准确率提升 0~10% 的新的标注分布。选择该范围是为了在初期尽可能减少新的标注和原始标注之间的差异,从而便于追踪造成差异的原因。上述过程重复了 50 000 次,以确保找到尽可能多地满足指定条件的新的标注分布。

在 50 000 次的实验当中, 共找到了 70 个满 足指定条件的新标注分布。将这70个标注分布 与原始标注进行比较,并计算新的标注分布较 之原始标注分布的改变比例,标注改变比例和 准确率提升的配对图如图 4 所示。通过生成新 的标注分布来将分类准确率提升 0~10%,标注 改变比例可以从 40.37% 变化到 57.80%, 有着 较大的改变。同时, 当标注改变比例 R 较小时 (40.37%≤R<45.00%),准确率提升变化幅度较 小,在 7%~10% 之间;而当标注改变比例较大 时(45.00%≤R≤57.80%),准确率提升变化幅度 较大,为2%~10%之间。可以看出,当生成的 新的标注分布和原始标注分布之间的差异较大 时,即过多地改动原始的标注分布时,不一定能 稳定且显著地提升分类准确率。另一个问题在 于,新的标注分布较原始标注分布的改变比例较 大,最小的也有 40.37%,使得追踪和验证生成 的新标注是否合理具有一定的挑战性。

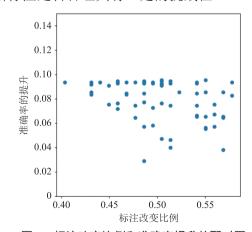


图 4 标注改变比例和准确率提升的配对图

Fig. 4 Pair plot between label-change-ratio and classification-accuracy-improvement

增强 ABIDE 结构磁共振影像数据进行孤独 症分类的研究较少, 现有的数据增强方法主要有 两种。一种是对原始影像进行编辑转换, 扩增影 像的数量。有研究者提出了动态数据增强的方 法,每次训练网络前,将 ABIDE I 训练集中的结 构磁共振影像进行随机 0~15°范围内的旋转、 随机水平或竖直方向偏移 20%、随机 0~15% 的 放大或缩小、随机 0.1~1(1 代表原始亮度)的亮 度变化, 使得每次训练网络时输入的影像数据 都不一致, 扩增了训练影像的数量, 提出的模型 和数据增强方法在 ABIDE I 影像上达到约 80% 的孤独症检测准确率^[30]。相似地, Nogay 等^[31] 将 ABIDE 上的结构磁共振影像分别进行水平翻 转、右旋转 90°和 180°、加入噪声, 使得增强后 的训练数据量是原先的5倍,在孤独症检测上取 得不错的结果。另一种是基于生成对抗网络产生 新的影像。Liu 等[32]提出了一个多输出的条件对 抗生成网络,用于生成新的功能和结构磁共振影 像特征。该生成网络采用底部全连接层共享的策 略,学习不同模态数据的联合表征,接着使用两 个独立的全连接网络模块分别生成新的功能和结 构磁共振影像特征,原始和新生成的特征被输入 到分类网络中。实验结果表明,采用多输出条 件生成对抗网络产生新特征的数据增强方式, 在 ABIDE I 上能够提升 4% 的孤独症检测准确率 (达到 72.9%)。虽然这些数据增强方法能够给模 型带来一定程度的性能提升, 但提升效果并不明 显,而且这些方法都基于原始影像和特征进行数 据扩充,增加训练数据量的同时也使得训练过程 变慢、训练难度增大, 目盲目地扩增数据也容易 引入一些不必要, 甚至是干扰的信息。与这些方 法不同的是,本文提出的数据增强新范式基于修 正数据标签进行, 能够在不增加数据量的情况下 明显提升孤独症检测的准确率(10%~20%)。且 由于本文提出的方法并无引入其他数据信息,因 此不容易受干扰, 使得数据增强带来的模型性能

提升效果更加稳定。在 500 次实验中,模型性能 提升 10%~20% 的次数达到了 494 次,进一步说 明基于修正数据标签的数据增强算法的稳定性和 可靠性。

为了进一步验证所提出的算法的优越性,本 研究采用现有数据增强方法进行实验, 分别对影 像特征进行水平翻转和添加随机噪声的操作。实 验结果表明,水平翻转的数据增强方式在 500 次 实验过程中提升 10% 以上准确率的次数为 8, 而随机添加噪声的数据增强方式在 500 次实验过 程中提升 10% 以上准确率的次数为 50, 验证了 本研究提出的增强算法在孤独症分类方面的优 越性(500 次实验提升准确率在 10%~20% 的次 数为 494)。为了进一步验证所提出算法的普适 性,本文在 ABIDE I 另一个中心(CMU)数据集 进行实验,在 500 次实验中能有效提升准确率在 10%~20% 的次数达到 500。除此之外,不同的 分类算法也被应用到本研究提出的数据增强算法 中。具体地,原始的影像特征和数据增强模型产 生的新标注也被输进 SVM、XGBoost 和 GBDT 分类器中。实验结果表明,本文提出的数据增强 算法在其他分类器上也能产生较好的结果,500 次实验提升准确率在 10%~20% 的次数分别为 499 (SVM)、492 (XGBoost)、486 (GBDT), 这说 明本研究提出的算法具备较好的普适性。

4 结 论

本研究聚焦于利用大脑结构磁共振影像进行 孤独症分类的人工智能算法改进,提出了一种新 的数据增强模型。与现有的通过扩增结构磁共振 影像或特征进行数据增强的算法不同,该模型采 用修正数据标签的思想,能够在不增加数据量的 情况下提升数据质量,明显提升了孤独症分类的 准确率。且由于本文提出的增强算法没有盲目引 入其他数据信息,不易于受干扰,因此效果更

加稳定。ASD 的传统诊断依赖临床行为量表, 存在误诊的情况,即原始标注之中可能会有噪 声,本文通过为原始特征生成新的标注来提升数 据质量,并基于 ABIDE I 中的 UM1 数据集进行 训练、模型测试,结果证实,新的标注分布确实 能够带来分类准确率的提升。同时,对于提升相 似的分类准确率来说,可以有不同的新的标注分 布。在临床医学的诊断上,并不是所有的标注分 布都是合理的,即分类准确率的提升不等价于对 原始标注的成功纠错。例如,将标注中的0和1 颠倒,并不会损失分类准确率,但是却是完全错 误的标注。本文的研究结果表明,新标注分布与 原始标注分布之间的差异较大,这为标注的验证 带来了极大的挑战, 拟在未来工作中, 与临床医 生建立进一步的联合分析,借助于临床医生的诊 断经验, 进一步分析和验证标注的数据增强方法 的可靠性和可解释性。

参考文献

- [1] Ziats CA, Patterson WG, Friez M. Syndromic autism revisited: review of the literature and lessons learned [J]. Pediatric Neurology, 2021, 114: 21-25.
- [2] Lai MC, Kassee C, Besney R, et al. Prevalence of co-occurring mental health diagnoses in the autism population: a systematic review and meta-analysis [J]. The Lancet Psychiatry, 2019, 6(10): 819-829.
- [3] Chaste P, Leboyer M. Autism risk factors: genes, environment, and gene-environment interactions [J]. Dialogues in Clinical Neuroscience, 2012, 14(3): 281-292.
- [4] Masi A, DeMayo MM, Glozier N, et al. An overview of autism spectrum disorder, heterogeneity and treatment options [J]. Neuroscience Bulletin, 2017, 33(2): 183-193.
- [5] Maenner MJ, Warren Z, Williams AR, et al. Prevalence and characteristics of autism spectrum disorder among children aged 8 years — autism and developmental disabilities monitoring network, 11 sites, United States, 2020 [J]. Morbidity and

- Mortality Weekly Report. Surveillance Summaries, 2023, 72(2): 1-14.
- [6] Zhou H, Xu X, Yan WL, et al. Prevalence of autism spectrum disorder in China: a nationwide multicenter population-based study among children aged 6 to 12 years [J]. Neuroscience Bulletin, 2020, 36(9): 961-971.
- [7] Sun X, Allison C, Wei LP, et al. Autism prevalence in China is comparable to Western prevalence [J]. Molecular Autism, 2019, 10: 1-19.
- [8] Sharma SR, Gonda X, Tarazi FI. Autism spectrum disorder: classification, diagnosis and therapy [J]. Pharmacology & Therapeutics, 2018, 190: 91-104.
- [9] Rosen NE, Lord C, Volkmar FR. The diagnosis of autism: from Kanner to DSM-III to DSM-5 and beyond [J]. Journal of Autism and Developmental Disorders, 2021, 51(12): 4253-4270.
- [10] Frigaux A, Evrard R, Lighezzolo-Alnot J. ADI-R and ADOS and the differential diagnosis of autism spectrum disorders: interests, limits and openings [J]. L'encephale, 2019, 45(5): 441-448.
- [11] Yazdani S, Capuano A, Ghaziuddin M, et al. Exclusion criteria used in early behavioral intervention studies for young children with autism spectrum disorder [J]. Brain Sciences, 2020, 10(2): E99.
- [12] Khodatars M, Shoeibi A, Sadeghi D, et al. Deep learning for neuroimaging-based diagnosis and rehabilitation of autism spectrum disorder: a review [J]. Computers in Biology and Medicine, 2021, 139: 104949.
- [13] Kaur P, Kaur A. Review of progress in diagnostic studies of autism spectrum disorder using neuroimaging [J]. Interdisciplinary Sciences, 2023, 15(1): 111-130.
- [14] Bento M, Fantini I, Park J, et al. Deep learning in large and multi-site structural brain MR imaging datasets [J]. Frontiers in Neuroinformatics, 2022, 15: 805669.
- [15] Celard P, Iglesias EL, Sorribes-Fdez JM, et al. A survey on deep learning applied to medical images: from simple artificial neural networks to generative models [J]. Neural Computing & Applications,

- 2023, 35(3): 2291-2323.
- [16] Soleimani M, Vahidi A, Vaseghi B. Twodimensional stockwell transform and deep convolutional neural network for multi-class diagnosis of pathological brain [J]. IEEE Transactions on Neural Systems and Rehabilitation Engineering, 2020, 29: 163-172.
- [17] Zou L, Zheng JN, Miao CY, et al. 3D CNN based automatic diagnosis of attention deficit hyperactivity disorder using functional and structural MRI [J]. IEEE Access, 2017, 5: 23626-23636.
- [18] Baur C, Denner S, Wiestler B, et al. Autoencoders for unsupervised anomaly segmentation in brain MR images: a comparative study [J]. Medical Image Analysis, 2021, 69: 101952.
- [19] Shorten C, Khoshgoftaar TM. A survey on image data augmentation for deep learning [J]. Journal of Big Data, 2019, 6(1): 1-48.
- [20] Jönemo J, Abramian D, Eklund A. Evaluation of augmentation methods in classifying autism spectrum disorders from fMRI data with 3D convolutional neural networks [J]. Diagnostics, 2023, 13(17): 2773.
- [21] Eslami T, Mirjalili V, Fong A, et al. ASD-DiagNet: a hybrid learning approach for detection of autism spectrum disorder using fMRI data [J]. Frontiers in Neuroinformatics, 2019, 13: 70.
- [22] Eslami T, Saeed F. Auto-ASD-network: a technique based on deep learning and support vector machines for diagnosing autism spectrum disorder using fMRI data [C] // Proceedings of the 10th ACM International Conference on Bioinformatics, Computational Biology and Health Informatics, 2019: 646-651.
- [23] Huang ZA, Zhu ZX, Yau CH, et al. Identifying autism spectrum disorder from resting-state fMRI using deep belief network [J]. IEEE Transactions on Neural Networks and Learning Systems, 2020,

- 32(7): 2847-2861.
- [24] Di Martino A, Yan CG, Li QY, et al. The autism brain imaging data exchange: towards a large-scale evaluation of the intrinsic brain architecture in autism [J]. Molecular Psychiatry, 2014, 19(6): 659-667.
- [25] Monk CS, Peltier SJ, Wiggins JL, et al. Abnormalities of intrinsic functional connectivity in autism spectrum disorders [J]. Neuroimage, 2009, 47(2): 764-772.
- [26] Paszke A, Gross S, Massa F, et al. PyTorch: an imperative style, high-performance deep learning library [C] // Proceedings of the Advances in Neural Information Processing Systems, 2019: 32.
- [27] Schuster M, Paliwal KK. Bidirectional recurrent neural networks [J]. IEEE Transactions on Signal Processing, 1997, 45(11): 2673-2681.
- [28] Kingma DP, Ba J. Adam: a method for stochastic optimization [Z/OL]. arXiv Preprint, arXiv: 1412.6980, 2014.
- [29] Breiman L. Random forests [J]. Machine Learning, 2001, 45: 5-32.
- [30] Mishra M, Pati UC. A classification framework for autism spectrum disorder detection using sMRI: optimizer based ensemble of deep convolution neural network with on-the-fly data augmentation [J]. Biomedical Signal Processing and Control, 2023, 84: 104686.
- [31] Nogay HS, Adeli H. Diagnostic of autism spectrum disorder based on structural brain MRI images using, grid search optimization, and convolutional neural networks [J]. Biomedical Signal Processing and Control, 2023, 79: 104234.
- [32] Liu R, Huang ZA, Hu Y, et al. Attention-like multimodality fusion with data augmentation for diagnosis of mental disorders using MRI [J]. IEEE Transactions on Neural Networks and Learning Systems, 2022: 1-15.